

(11) Publication number:

2001-264297

(43) Date of publication of application: 26.09.2001

(51)Int.CI.

GO1N 27/64 GO1N 1/10 GO1N 27/62 GO1N 30/72 HO1J 49/04 HO1J 49/40 // C12M 1/00 C12N 15/00

(21)Application number: 2000-077763

(71)Applicant: HITACHI LTD

(22)Date of filing:

15.03.2000

(72)Inventor: AKAMATSU NAOTOSHI

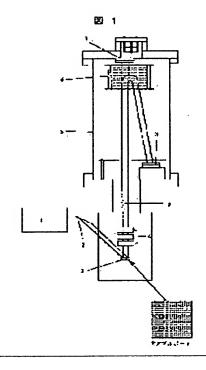
OTANI TOSHIAKI IBE HIDEFUMI

## (54) METHOD AND DEVICE FOR ANALYZING SAMPLE

(57)Abstract:

PROBLEM TO BE SOLVED: To quickly carry out mass spectrometry on a great number of samples for structural analysis of DNA or protein.

SOLUTION: Mass spectrometry is carried out by detecting an ion 9 released from each sample 3 by means of two-dimensional detectors 7, 8 via an ion lens 4, and mass spectra of a plurality of samples can be obtained at once.



## **LEGAL STATUS**

[Date of request for examination]

[Date of sending the examiner's decision of rejection]

[Kind of final disposal of application other than the examiner's decision of rejection or application converted registration]

[Date of final disposal for application]

[Patent number]

[Date of registration]
[Number of appeal against examiner's decision of rejection]
[Date of requesting appeal against examiner's decision of rejection]
[Date of extinction of right]

Copyright (C); 1998,2003 Japan Patent Office

## (19)日本国特許庁 (JP)

# (12)公開特許公報 (A)

# (11)特許出願公開番号

# 特開2001-264297

(P2001-264297A) (43)公開日 平成13年9月26日(2001.9.26)

(5 <u>1</u> ) Int. Cl. <sup>7</sup>	識別記号	FΙ			テーマコート	(参考)
GO1N 27/64		GO1N 27/64		В		
1/10		1/10		G 5C038		
27/62		27/62		K		
				X		
30/72		30/72		Z		
	審査請求	未請求 請求項	質の数 7 O	L (全5	頁) 最終頁	に続く
(21)出願番号	特願2000-77763 ( P 2000-77763)	(71)出願人	000005108			
			株式会社日立	z製作所		
(22) 出願日	平成12年3月15日(2000.3.15)	東京都千代田区神田駿河台四丁目6番地				
		(72)発明者	赤松 直俊			
			神奈川県横浜	市戸塚区さ	日町292番地	株
			式会社日立製	と作所生産も	<b>b</b> 術研究所内	
		(72)発明者	大谷 俊明			
			神奈川県横浜	(市戸塚区書	5田町292番地	株
			式会社日立製	V作所生產技	<b>货術研究所内</b>	
		(74)代理人	100075096			
			弁理士 作田	<b>康夫</b>		
		最終頁に続く				

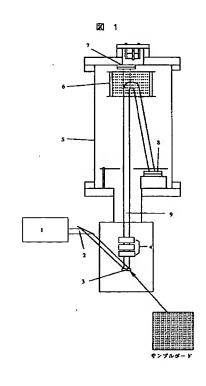
## (54) 【発明の名称】試料分析方法及び装置

# (57)【要約】

(修正有)

【課題】DNA、蛋白質の構造解析として、多数の試料を迅速に質料分析すること。

【解決手段】イオンレンズ4により各試料3から脱離するイオン9を2次元検出器7,8で検出、質量分析を行い、複数の試料の質量スペクトルを一括して得る。



#### 【特許請求の範囲】

【請求項1】 レーザビームを試料に照射し、脱離/イオン化した物質を飛行時間質量分析する分析法において、試料を搭載するサンプルボード表面上の異なる複数の位置に各試料を配置し、該複数の試料を含む領域にレーザビームを照射、レーザビームにより脱離/イオン化してきたイオンを、イオンレンズ光学系で検出部に1次元又は2次元的に結像させ、1次元又は2次元検出器でイオンを検出、複数の試料を同時に質量分析する、試料分析方法。

【請求項2】 請求項1において、試料として分析対象 物質とレーザ光を吸収するマトリックスを混合させた物 を用いる分析方法。

【請求項3】 請求項1において、薄層クロマトグラフィ、電気泳動、液体クロマトグラフィ等の成分分離手法で分離した各成分をサンプルボード上の異なる位置に展開し、展開した各成分を一括質量分析する分析方法。

【請求項4】 請求項1において、薄層クロマトグラフまたは電気泳動により成分分離展開したプレートを試料とし、プレート上異なる部位に展開した各成分の質量分 20 析を同時に行うことを特徴とする試料分析方法。

【請求項5】 請求項1において、電気泳動により成分 分離展開したプレートを試料とし、プレート上異なる部 位に展開した各成分の質量分析を同時に行うことを特徴 とした試料分析方法。

【請求項6】 複数の試料を搭載するサンプルボードとそのサンプルボード上に搭載した複数試料の少なくとも2つ以上の試料を同時に脱離/イオン化させるためのレーザ及びレーザ光照射手段と飛行時間質量分析計とイオンレンズ光学系と脱離したイオンを検出する2次元検出30器を備え、イオンレンズ光学系により、サンプリングボード上の脱離した位置に応じ、検出器上に一次元または2次元的に結像させるようにしたことを特徴とした質量分析装置。

【請求項7】 請求項6において、サンプルボードから 脱離/イオン化したイオンのうち、一つまたは複数の特 定質量数のイオンのみを検出する機構を備えた装置。

#### 【発明の詳細な説明】

#### [0001]

【発明の属する技術分野】本発明は、DNA、蛋白質等の 生体分子の分子構造を分析、解析する装置に関するもの である。

## [0002]

【従来の技術】質量分析法はDNA、蛋白質の構造解析に 欠かせない手段である。質量分析の中でも最新のマススペクトロメトリ(化学同人)15-17ページ記載のレーザ 脱離/イオン化質量分析計は、蛋白質、DNA等の巨大高 分子をイオン化できるため、生体分子の有用な解析手段 として注目されている。数社から装置も市販されている。 【0003】レーザ脱離/イオン化質量分析は分析したい試料部位にレーザを照射し、そこから脱離してきた成分を質量分析することにより、試料分子の質量数を決定する。

【0004】質量分析によるDNA、蛋白質等の生体分子の構造解析/決定には、分析対象を多数の成分に分離精製し、さらに個々の成分を制限酵素で断片化したものを分析する必要があり、非常に多数の試料を迅速に分析しなければならない。また、DNA診断においては、多数0人間から得た試料を迅速に処理する必要がある。

【0005】それに対し市販されている一般的なレーザ脱離/イオン化質量分析装置は、図6にしめすよう、サンプルボードにサンプリングした各それぞれの試料を一個ずつ質量分析していく。すなわちサンプリングした試料各点にレーザを照射し一個ずつ分析していくため、多数の試料を迅速に分析することは非常に困難である。

### [0006]

【発明が解決しようとする課題】DNA、蛋白質の構造解析には、多数の試料を迅速に質量分析行うことが重要である。

【0007】本発明の目的は多数の試料を同時に質量分析する手段を提供し、前記課題を解決することにある。 【0008】

【課題を解決するための手段】上記目的の為に、分析したい試料をサンプルボード上に2次元的に配置する。

【0009】そのサンプルボード全面にレーザを照射、 生成するイオンをイオンレンズ光学系で検出器上に2次 元的に結像し、2次元検出器で検出する。この方式によ り、各試料の質量スペクトルを同時に得ることが可能と かる

【0010】多数のDNA、蛋白質等の生体分子の構造解析を迅速に行うことが可能となる。

## [0011]

【発明の実施の形態】図1に本実施例の系統図を示す。 1は試料脱離、イオン化用のレーザ、2はレーザビーム、3は試料搭載用のサンプルボード、9は試料から脱離したイオンビーム、4はイオンビーム9の引き出し、加速及び検出器への結像を行うためのイオンレンズ、5は飛行時間型質量分析計、6はイオンビーム反射用のリ 40 フレクトロン、7、8は2次元検出器である。

【0012】図2にサンプルボードを上面から見た図を示す。図2のサンプルボードの各点に分析対象の試料を搭載する。本実施例で用いたサンプルボードは面内に1万点の資料を搭載できる。サンプルボードのサイズは100mm×100mmである。従って各試料は1mm間隔でサンプルボードに搭載される。また試料のサイズは約0.1mm~0.17mm程度となるようにした。

【0013】レーザビーム2はサンプルボードの一部または全面に照射される。ここでサンプルボード上のレー50 ザ照射径の調整は凸レンズと凹レンズからなるビームイ

クスパンダにより行う。本実施例ではレーザとしてXeCl エキシマレーザを採用したが、充分な出力さえあればど のようなレーザを用いてもよい。レーザの照射によりサ ンプルボードの各部分から各分析対象試料が脱離/イオ ン化する。生成したイオンを、イオンレンズ光学系4で 加速して飛行時間質量分析計へ送り込む。このイオンレ ンズ光学系4は、サンプルボードの上のある点から脱離 /イオン化したイオンを、検出器上の対応する位置に結 像する。結像の概念を図3に示す。サンプルボード上の aから脱離したイオンはやや広がりをもってイオンレン ズ4に入射する。そこでイオンレンズの結像能力によ り、2次元検出器上のa'にaから脱離したイオンが収束 する。別の点bから脱離したイオンは2次元検出器の別 の点b'に収束する。このようにサンプルボード上の各 点から脱離したイオンは2次元検出器上それぞれ対応す る各点に収束するようなイオンレンズ光学系を本発明は 備えている。本実施例で使用したイオンレンズは静電レ ンズであるアインツェルレンズである。このレンズは3 つの電極からなり、このレンズの電圧をそれぞれ適当に 調整することにより上記イオン結像の機能とイオン引き 20 信号処理、データ解析システムが簡便となる。 出し及び加速の機能を持たせる。

【0014】飛行時間質量分析計は、検出器に到達する 時間で、質量スペクトルを得る。2次元検出器は検出器 上の各点それぞれに到達したイオンを検出し、電気的パ ルス信号として出力する。時間-振幅変換器等を用いて 各点の飛行時間すなわち、各点でのマススペクトルを同 時に得ることができる。検出器上の各点はサンプルボー ド上の各点に一対一対応する。従って、この方法でサン プルボード上の各点のマススペクトルを同時に測定する ャンネルプレートを前段に備える位置検出型半導体を使 用した。

【0015】本実施例により多数の試料の質量スペクト ルを同時に得ることができDNAや蛋白質の迅速な構造解 析が可能となる。

【0016】1万人分のDNAの単一ヌクレオチド置換を 調べることを例にあげ測定の手順を以下に示す。各人か ら得たDNAを適当なマトリックスに混合し、各人それぞ れのDNAをサンプリングボードの異なる位置に滴下して 搭載する。その後マトリックスとDNAの混合の際用いた 溶媒が乾燥してから、測定装置にサンプルボードを導入 する。測定装置に導入した後、サンプルボード全体にエ キシマレーザ光をできるだけ均一に照射する。それによ り各点に滴下した各人のDNA分子が一斉に脱離/イオン 化し、イオン化したDNA分子をイオンレンズで加速して 飛行時間質量分析計に導入する。各人のそれぞれのDN

A分子イオンは、サンプリングボード上の位置に従って 2次元検出器上の別々の位置に到達するので、イオンの 検出器上各位置にイオンが到達した時間と検出器の位置 と記録すれば、一万人各人それぞれのDNAの分子量を 一斉に計測できる。従って非常に迅速な分析が可能であ

【OO17】別の実施例の形態を以下に述べる。DNA診 断では診断対象のDNA部が特定塩基配列であるか否かを 判別すれば良い場合も多い。この場合診断対象のDNA 10 が特定塩基配列のDNAの質量数に一致するかどうかの みを判定すれば良い。この実施例の図を図4に示す。基 本的には前記した実施例の装置構造と同じであるが、飛 行時間質量分析計5の中に電極10を付加してある。電 極の位置はリフレクトロン6の前でも後でもよいが、こ こではより精密に質量選択可能なようリフレクトロンの 後に配置する。この電極に瞬間的に電場を加え、検出し たいイオン以外を排除するようにする。この方式により 特定の質量数のDNAのみを検出できる。この実施例で は、必要最小限の情報のみを得ることができ、検出器、

【0018】また実施例の別の形態として電気泳動や薄 層クロマトグラフで分離した成分の質量分析を同時に行 うことも可能である。図5のようにゲル電気泳動で各成 分を展開した後、この電気泳動の担体をサンプルボード 3のかわりに用いることにより、電気泳動で分離した各 点の成分の質量スペクトルを迅速に得ることができる。 【0019】電気泳動の例をここでは述べたが、薄層ク ロマトグラフ他のクロマトグラフの手法でも、サンプル ボード上に1次元あるいは2次元上にサンプリング展開 ことができる。本実施例では検出器として、マイクロチ 30 することにより、該クロマトグラフで分離した各成分の 質量スペクトルを迅速に得ることができる。

#### [0020]

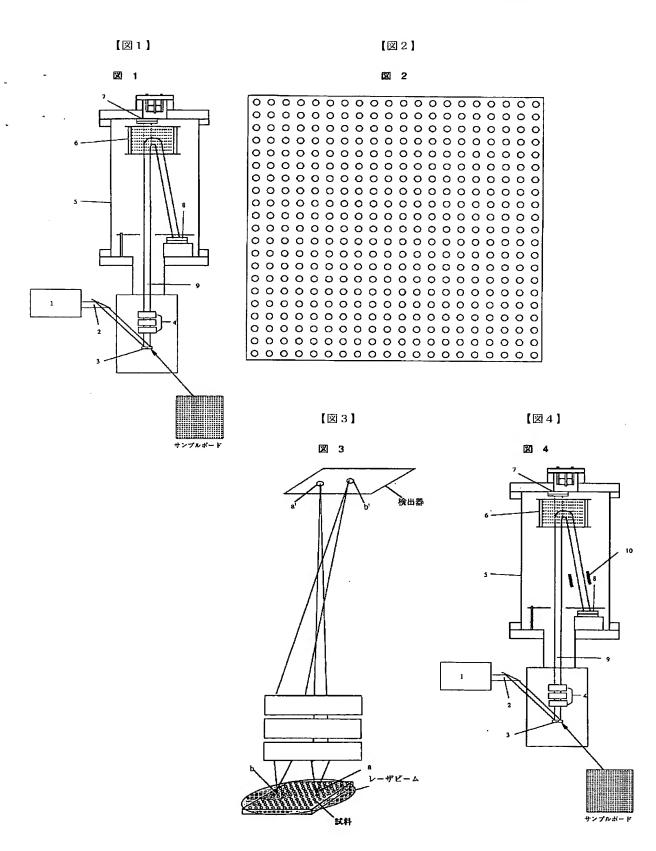
【発明の効果】これまで記した方法により、多数の試料 の質量分析を同時に行うことができ、DNAや蛋白質の解 析を迅速に行うことが可能となる。

#### 【図面の簡単な説明】

- 【図1】発明実施例の系統図である。
- 【図2】サンプルボードを示す図である。
- 【図3】イオン結像の様子を示す図である。
- 【図4】発明実施例の系統図である。
  - 【図5】電気泳動への適用図である。
  - 【図6】従来技術を説明する図である。

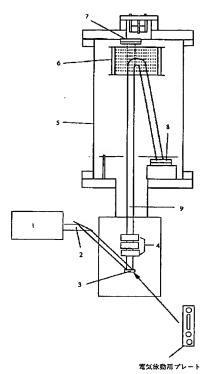
#### 【符号の説明】

1…レーザ、2…レーザ光、3…試料、4…イオンレン ズ、5…飛行時間質量分析計、6…リフレクトロン、7 …検出器、8…検出器、9…イオン、10…電極。

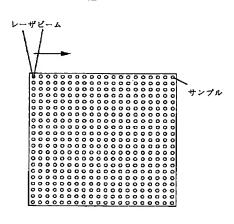


【図5】

図 5



【図6】



フロントページの続き

(51) Int. C1. <sup>7</sup>		識別記号	FI		テーマコード(参考)
H01J	49/04		H 0 1 J	49/04	
	49/06			49/06	
	49/40			49/40	
// C12M	1/00		C 1 2 M	1/00	A
C 1 2 N	15/00		C 1 2 N	15/00	Z

(72)発明者 伊部 英史

神奈川県横浜市戸塚区吉田町292番地 株 式会社日立製作所生産技術研究所内

Fターム(参考) 4B029 AA07 FA15

5C038 EE02 EF15 EF17 EF21 FF04

FF07